INISTERIO
DE AGRICULTURA, PESCA Y
ALIMENTACIÓN

DIIRECCIÓN GENERAL
DE SANIDAD DE LA PRODUCCIÓN
AGROALIMENTARIA Y BIENESTAR
ANIMAL

SUBDIRECCIÓN GENERAL
DE SANIDAD E HIGIENE ANIMAL
Y TRAZABILIDAD

SITUACIÓN ACTUAL DEL VIRUS SHAMONDA EN ESPAÑA Y EN LA UE (07/10/2026)

El virus Shamonda (SHAV) pertenece al género *Orthobunyavirus*, dentro del serogrupo Simbu, y se transmite principalmente mediante la picadura de dípteros del género *Culicoides*. El ganado bovino es susceptible tanto a la infección como a la enfermedad clínica, mientras que ovinos y caprinos también pueden infectarse, mostrando ocasionalmente un cuadro clínico. En équidos se han detectado animales positivos con sintomatología nerviosa, sin que hasta el momento se haya podido establecer una relación causal.

En bovinos, la infección puede producir fiebre, diarrea y disminución de la producción láctea, pudiendo afectar a un elevado porcentaje de los animales de una explotación. También se han descrito posibles efectos reproductivos en hembras gestantes, como abortos o malformaciones fetales. Hasta el momento, no se ha observado mortalidad atribuible directamente al virus. En ganado ovino se han descrito en Francia ocasionalmente casos con malformaciones congénitas en los corderos.

El virus fue detectado por primera vez en Nigeria a mediados de la década de 1960 y, hasta 2026, se había notificado de forma esporádica en diferentes regiones de África y en Japón.

Situación en Europa

Durante el verano de 2026 se identificó en Europa un nuevo virus, denominado **Shamonda-Europe (SHAV-Europe)**.

El virus fue identificado el 31 de julio de 2026. La identificación se produjo en el contexto de la investigación de cuadros clínicos observados en explotaciones bovinas de Alemania y Suiza durante los meses de junio y julio, caracterizados principalmente por diarrea, fiebre, abatimiento y disminución transitoria de la producción láctea.

Desde entonces, se ha confirmado la presencia de Shamonda-Europe en **Austria, Alemania, Bélgica, Francia, Liechtenstein, Países Bajos, Italia y Suiza**. Más recientemente, se ha confirmado también la presencia del virus en **Irlanda**. Asimismo, se ha detectado el virus en Jersey (Islas del Canal).

Se han identificado dos genotipos diferenciados:

- **Shamonda-Europe 1 (SHAV-EU1)**, detectado principalmente en Francia, Suiza y el sur de Alemania.
- **Shamonda-Europe 2 (SHAV-EU2)**, detectado en el oeste de Francia, Países Bajos y norte de Alemania.

A pesar de estas diferencias genéticas, hasta el momento no se han observado diferencias en la presentación clínica asociada a ambos genotipos.

Situación en Francia

Francia presenta actualmente una amplia distribución del virus, siendo uno de los países europeos en los que se ha confirmado un mayor número de detecciones. La proximidad geográfica con España y la importancia de los movimientos de animales entre ambos países hacen especialmente relevante el seguimiento de la situación epidemiológica en Francia.

A 29 de septiembre de 2026, Shamonda-Europe había sido identificado en 51 departamentos franceses, principalmente en explotaciones de vacuno y en algunas ocasiones de ovino, con animales que presentaban sintomatología.
El 30 de septiembre de 2026 se detectó un primer caso en caballos en el departamento de Hérault.

Situación en España

En España, el Laboratorio Central de Veterinaria (LCV) de Algete, Laboratorio Nacional de Referencia, ha confirmado hasta el momento la detección del virus Shamonda tipo 1 en explotaciones de ganado bovino en las provincias de Córdoba, Toledo, Ávila y Madrid. Asimismo, recientemente se ha confirmado la presencia de Shamonda tipo 2 en una granja de vacuno en la provincia de Cantabria.

Las explotaciones afectadas han presentado sintomatología compatible con la descrita en otros países europeos, principalmente fiebre, diarrea y disminución de la producción láctea, comunicada a los SVO de las CCAA en el marco de la vigilancia pasiva que tenemos en nuestro país para esta enfermedad.

La situación en España continúa bajo seguimiento, con especial atención a la evolución de las detecciones y a la caracterización de los virus identificados, así como a su posible relación con los genotipos descritos en otros países europeos.

Se puede encontrar más información sobre el virus de Shamonda en la página del MAPA dedicada a la enfermedad:

https://www.mapa.gob.es/es/ganaderia/temas/sanidad-animal-higiene-ganadera/sanidad-animal/enfermedades/virus_shamonda?utm_